

**Animal : Hunderwood Service Secret**

N° d'identification :	<b>250 268 502 063 320</b>	Propriétaire :	<b>Sandrine CATEINE</b>
Race :	<b>Yorkshire Terrier</b>	N° de prélèvement :	<b>E00753360</b> (prélevé le 08/12/2022)
Sexe :	<b>Mâle</b>	Code résultat :	<b>A00033273</b>
Date de naissance :	<b>30/06/2021</b>	Préleveur :	<b>Frédéric CRETON</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 10780)
Pedigree :			<b>Prélèvement authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>21/04/2023</b>	Document établi le :	<b>21/04/2023</b>

**MALADIES**

	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> <b>d'expression</b>	<b>RÉSULTAT</b>	<b>EXPRESSION</b>	<b>TRANSMISSION</b>
Atrophie Progressive de la Rétine (APR-prcd)	PRCD c.5G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Acidurie L-2-Hydroxyglutarique	L2HGDH c.1A>G	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Encéphalopathie Nécrosante Subaigüe	SLC19A3 c.205_210delins35	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓

<b>EXPLICATIONS</b>
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défectiveuse du gène.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défectiveuses du gène.

<b>EXPRESSION</b>	<b>TRANSMISSION</b>
✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Animal : **Hunderwood Service Secret**

N° d'identification :	<b>250 268 502 063 320</b>	Propriétaire :	<b>Sandrine CATEINE</b>
Race :	<b>Yorkshire Terrier</b>	N° de prélèvement :	<b>E00753360</b> (prélevé le 08/12/2022)
Sexe :	<b>Mâle</b>	Code résultat :	<b>A00033273</b>
Date de naissance :	<b>30/06/2021</b>	Préleveur :	<b>Frédéric CRETON</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 10780)
Pedigree :		Prélèvement authentifié	
Résultat établi le :	<b>21/04/2023</b>	Document établi le :	<b>21/04/2023</b>

## CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> <b>d'expression</b>	<b>RÉSULTAT</b>
Locus B - Marron			<b>Non Porteur Marron (B/B)</b>
b <sup>a</sup>	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>c</sup>	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>d</sup>	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>e</sup>	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>s</sup>	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
Locus D - Dilution			<b>Non Porteur (D/D)</b>
d	MLPH c.-22G>A	Autosomique récessif	<b>D/D</b>
d <sup>2</sup>	MLPH c.705G>C	Autosomique récessif	<b>D/D</b>
d <sup>3</sup>	MLPH c.667_668insC	Autosomique récessif	<b>D/D</b>
Longueur du Pelage	FGF5 c.284G>T	Autosomique récessif	<b>Homozygote poil long</b>
Poil Bouclé ou Ondulé (c <sup>1</sup> )	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	<b>Non porteur (C/C)</b>
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	<b>Non porteur de polydactylie</b>
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	<b>Faible chute de poils</b>

Animal : **Hunderwood Service Secret**

N° d'identification :	<b>250 268 502 063 320</b>	Propriétaire :	<b>Sandrine CATEINE</b>
Race :	<b>Yorkshire Terrier</b>	N° de prélèvement :	<b>E00753360</b> (prélevé le 08/12/2022)
Sexe :	<b>Mâle</b>	Code résultat :	<b>A00033273</b>
Date de naissance :	<b>30/06/2021</b>	Préleveur :	<b>Frédéric CRETON</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 10780)
Pedigree :			Prélèvement <b>authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>21/04/2023</b>	Document établi le :	<b>21/04/2023</b>

**MALADIES**

Myélopathie Dégénérative (DM)

	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> <b>d'expression</b>	<b>RÉSULTAT</b>	<b>EXPRESSION</b>	<b>TRANSMISSION</b>
	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓

<b>EXPLICATIONS</b>
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

<b>EXPRESSION</b>	<b>TRANSMISSION</b>
✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.